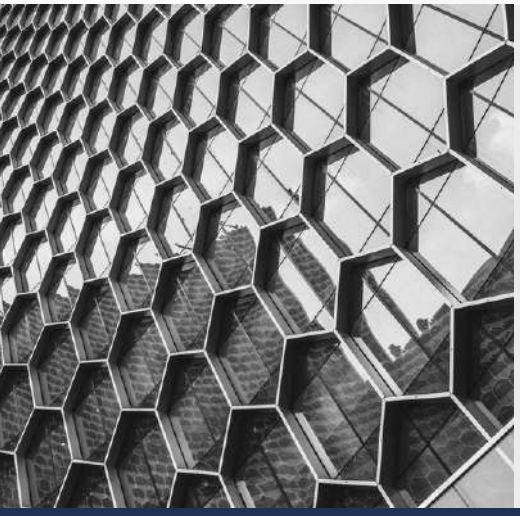
weSEQ.iT

KATALOG USŁUG NGS

Zmień swoje hipotezy badawcze na pliki danych.

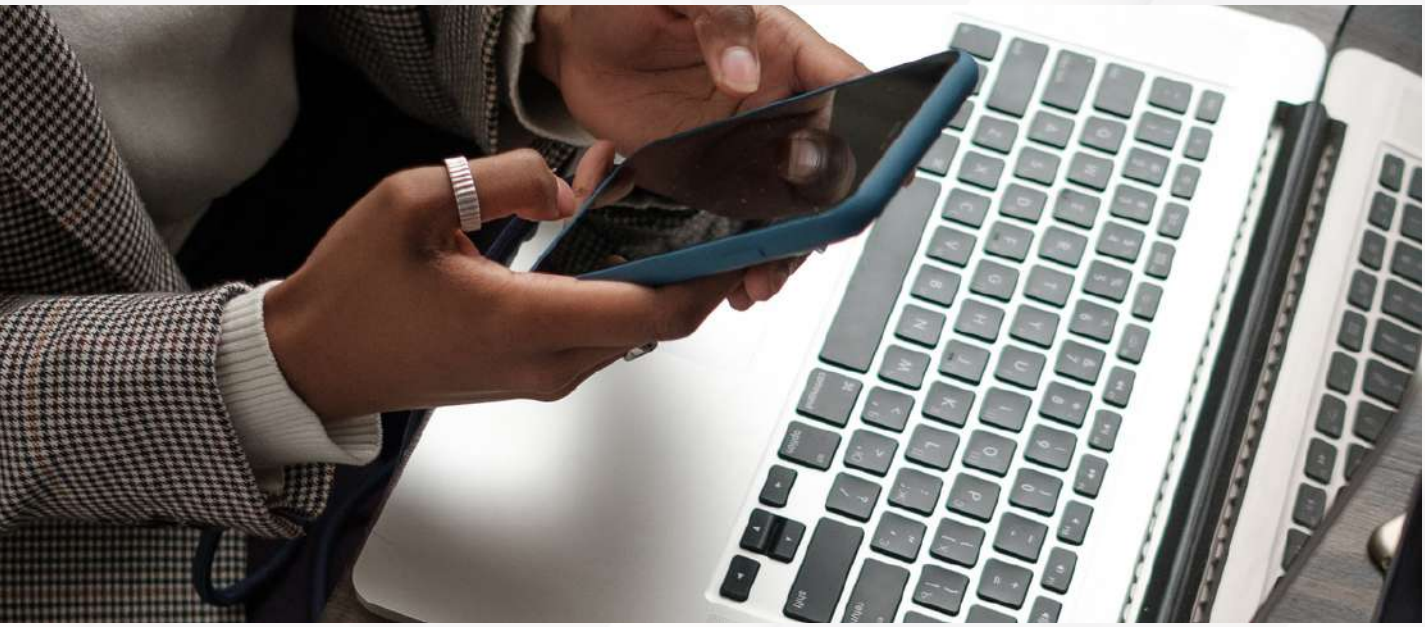


Zapraszamy do zapoznania się z ofertą wkraczającej na polski rynek firmy **weSEQ.IT**, której celem jest wprowadzanie na rynek polski zaawansowanych metod analizy DNA i RNA opartych na Sekwencjonowaniu Nowej Generacji (NGS) w europejskim standardzie.

weSEQ.IT oferuje dostęp do najwyższej klasy sprzętu oraz doświadczonych naukowców. Wszystkie usługi realizowane są w Polsce i w krajach Europy Zachodniej zapewniając najwyższą jakość.

Oferujemy Państwu pełen zakres usług od pomocy przy planowaniu analizy, przygotowaniu bibliotek po sekwencjonowanie.
Możliwa jest również analiza bioinformatyczna otrzymanych wyników.

Cena jako istotny czynnik



Każde wysłane do nas zapytanie sprawdzamy u wszystkich naszych partnerów biznesowych. Dzięki temu zawsze otrzymasz od nas jakościowo i cenowo najkorzystniejszą ofertę.

Dzięki naszej współpracy nie musisz już szukać, porównywać ofert i tracić swojego cennego czasu. Zrobimy to za Ciebie, ponieważ mamy w tym doświadczenie, wiemy na co zwrócić uwagę i w jaki sposób rozmawiać z korporacjami.

Współpraca z nami pozwala Tobie zaoszczędzić czas i odejmuje konieczność żmudnej papierkowej pracy. Dzięki temu każdy może skupić się na tym, co potrafi najlepiej, my na negocjacjach, a Ty na prowadzeniu projektów naukowych.

Dlaczego warto z nami współpracować?

Stale współpracujemy z licznymi jednostkami naukowymi w Polsce, systematycznie poszerzając grono naukowców, którzy korzystają z naszych usług sekwencjonowania nowej generacji. Jako firma składamy się przede wszystkim z naukowców, dzięki czemu rozumiemy potrzeby naszych klientów lepiej, niż typowi handlowcy, docierając tym samym dalej, niż nasza korporacyjna konkurencja. Ponadto posiadamy długoterminowe kontrakty z wiodącymi laboratoriami NGS w Europie, co pozwala nam w pełni odpowiedzieć na potrzeby naszych klientów, oferując usługi dopasowane do danego projektu naukowego.

Mówimy tym samym językiem

Firma weSEQ.IT została stworzona przez naukowców dla naukowców. Nie jesteśmy międzynarodową korporacją, ale my **staramy się bardziej**. Działamy z pasją i wielkim zaangażowaniem, ponieważ wierzymy, że ostatecznie każdy projekt sprzyja lepszemu funkcjonowaniu człowieka na świecie.
Jesteśmy wdzięczni za Twój wysiłek i starania w kolejnych odkryciach.

W weSEQ.IT **doceniamy naukowców**, a nie instytucje.

Stawiamy na jakość

Przy wyborze partnerów biznesowych kierujemy się przede wszystkim dobrem i oczekiwaniami naszych klientów. Dlatego laboratoria, z którymi współpracujemy, muszą zapewniać najwyższą jakość świadczonych usług gwarantowaną przez odpowiednie certyfikaty.

Certyfikaty Naszych Partnerów

Co mówią o nas liczby?

2000

Próbek rocznie

90 %

Pełen pakiet (Biblioteki + Sekwencjonowanie)

50 %

Analiza danych

- Naukowcy powierzają nam średnio ponad 2000 prób rocznie.
- Mając na uwadze wysoką powtarzalność wyników aż 90% klientów wybiera do swojego projektu pakiet usług (analiza jakości materiału, tworzenie bibliotek oraz sekwencjonowanie).
- Ponad połowa klientów, poza usługą NGS, decyduje się również na proponowane przez nas wsparcie bioinformatyczne.

Nie ilość, a **jakość** ma znaczenie!

Abyśmy mogli zapewnić najwyższą jakość naszych usług, rocznie wybieramy jedynie około **50 projektów** do współpracy.

Proces - od przekazania materiału do otrzymania wyników

Przekazanie próbek kurierowi

Analiza jakości próbek

Przygotowanie bibliotek

Sekwencjonowanie

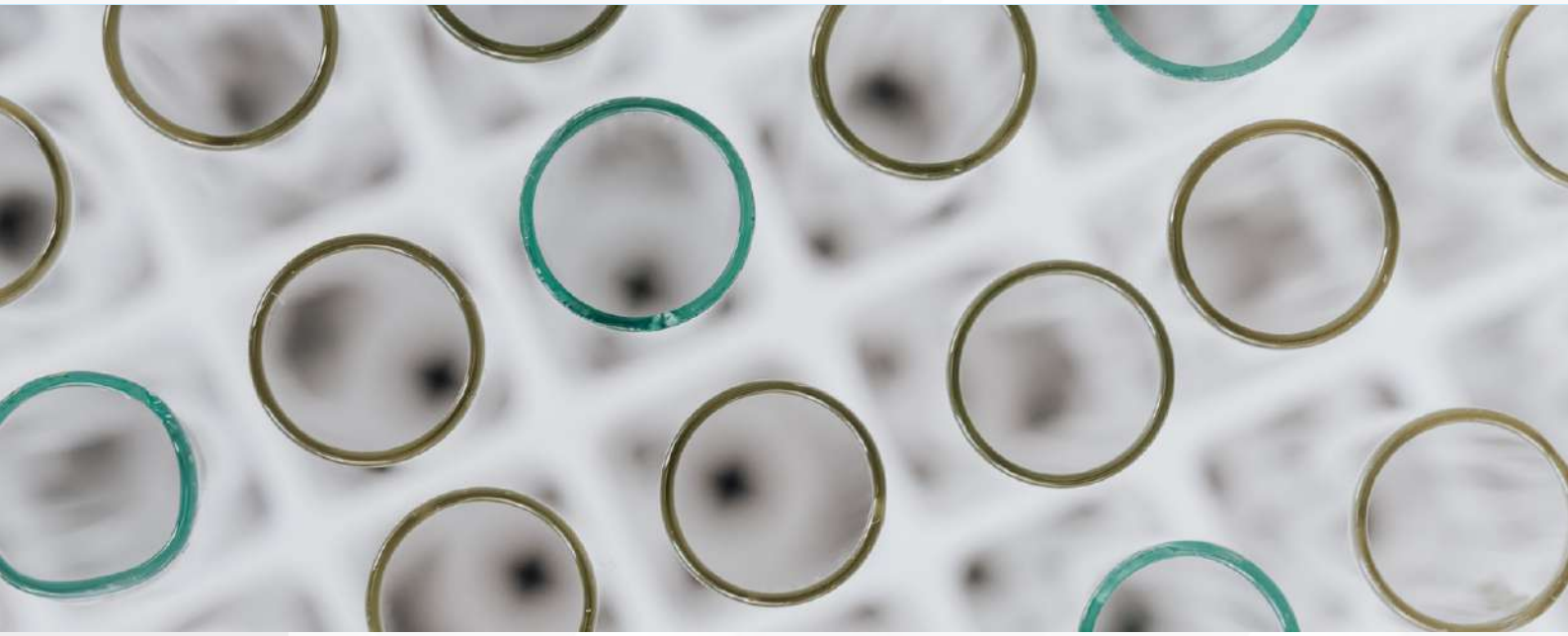
Analiza danych

Dostarczenie wyników

Zapewniamy kompleksową obsługę z ręki do ręki. Kurier odbierze Twoje próbki z laboratorium i przewiezie je na suchym lodzie. Wszystkie otrzymane próbki podlegają sprawdzeniu i oczyszczeniu, po czym syntetyzowane są biblioteki, które wykorzystujemy do sekwencjonowania. Otrzymane dane są analizowane, a wyniki dostarczane do Ciebie (SFTP lub na Twoje konto w chmurze).

Na życzenie klienta wysyłamy powiadomienia na jakim etapie znajdują się aktualnie próbki.

Powtórzenia biologiczne



Z własnego doświadczenia wiemy jak ważne są powtórzenia biologiczne i techniczne. Zdajemy sobie również sprawę, że większa ilość prób wiąże się z większymi kosztami.

Dlatego przygotowaliśmy dla Państwa specjalną ofertę - im większa ilość prób do przygotowania bibliotek, tym niższa cena za 1 bibliotekę*! Bez zmiany ceny za usługę sekwencjonowania. Np. wybierając usługę przygotowania biblioteki mRNA (z polyA enrichment, czyli idealną do analizy zmian ekspresji genów) dla 24 prób zapłacimy tyle samo, a nawet minimalnie mniej, ile za taką samą usługę dla 30 prób!*

Koniecznie skontaktuj się z nami i opowiedz o swoim projekcie, a z wielką chęcią dobierzemy dla Ciebie odpowiednie rozwiązanie w atrakcyjnej cenie.

W naszej ofercie znajdą Państwo

Tworzenie bibliotek z DNA oraz RNA
Dostępnych jest wiele protokołów i zestawów w zależności od technologii sekwencjonowania, źródła próbki i interesującego zagadnienia biologicznego.

Sekwencjonowanie
Sekwencjonujemy na sprzęcie Illumina (NovaSeq, NextSeq, MiSeq), PacBio (Sequel) i ONT (MinION, PromethION) w zależności od planowanej analizy. Dostępny sprzęt pozwala na krótkie, długie i ultradługie sekwencjonowanie, a także szeroki zakres informacji wyjściowej, od kilku milionów do terabajtów odczytów.

Analizę bioinformatyczną
Każdorazowo dopasowujemy analizę do przeprowadzonego sekwencjonowania, materiału wyjściowego oraz stawianych hipotez badawczych.

Katalog Ofertowy NGS

WHOLE GENOME

- Human
- Plant & Animals
- Microbes

TRANSCRIPTOME

- Total RNA
- mRNA
- small RNA
- full-length transcript sequencing (Iso-Seq)

WHOLE EXOME

- Human
- Plant & Animals

EPIGENOME

- ChIP-seq
- WGBS

METAGENOME

- Shotgun Metagenomic
- Amplicon Metagenomic

SINGLE CELL

- 10X Genomics scRNA
- 10X Genomics ATAC

Potrzebujesz czegoś innego?

Daj Nam znać, a my zrobimy co w naszej mocy, aby znaleźć dla Ciebie odpowiednią usługę.

Skontaktuj się z nami

Opiekun Klienta
tel: 888-873-951
e-mail: contact@weseq.it
web: www.weseq.it

weSEQ.IT
ul. Mariana Rejewskiego 80
44-251 Rybnik
NIP: 642-30-60-165